



## INFORMAZIONI PERSONALI

Nome	<b>CARLA PIAZZA</b>
Indirizzo	<b>UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI UDINE VIA LE SCIENZE 206, UDINE - 33100</b>
Telefono	<b>0432 558497</b>
Pagina Web	<a href="http://users.dimi.uniud.it/~carla.piazza/">http://users.dimi.uniud.it/~carla.piazza/</a>
E-mail	<a href="mailto:carla.piazza@uniud.it">carla.piazza@uniud.it</a>
Nazionalità	Italiana
Data di Nascita	09/04/1974
Genere	Femmina

## ESPERIENZA LAVORATIVA

- Date (da - a) Dicembre 2021 – oggi
- Datore di Lavoro Università degli Studi di Udine – Dipartimento di Scienze Matematiche, Informatiche e Fisiche
  - Settore
  - Occupazione **Professore Ordinario – INFORMATICA (INF/01)**
- Principali attività
  
- Date (da - a) Novembre 2005 – Novembre 2021
- Datore di Lavoro Università degli Studi di Udine – Dipartimento di Scienze Matematiche, Informatiche e Fisiche
  - Settore
  - Occupazione **Professore Associato – INFORMATICA (INF/01)**
  - Attività
  
- Date (da - a) Gennaio 2005 – Ottobre 2005
- Datore di Lavoro Università degli Studi di Udine – Dipartimento di Scienze Matematiche, Informatiche e Fisiche
  - Settore
  - Occupazione **Ricercatore – INFORMATICA (INF/01)**
  - Attività

## EDUCAZIONE E FORMAZIONE

- Date (da - a) 2002-2004
- Organizzazione Università degli Studi di Udine  
Università Ca' Foscari di Venezia  
New York University
- Principali attività Attività di Ricerca in Informatica
- Titoli conseguiti **Post Doc Grants**
  
- Date (da - a) 1998 – 2002
- Organizzazione Università degli Studi di Udine
- Principali attività Tesi dal titolo Computing in Non-Standard Set Theories
- Titoli conseguiti **PhD in Informatica**
  
- Date (da - a) 1992 – 1997
- Organizzazione Università degli Studi di Parma
- Principali attività Tesi dal Titolo Set-Constraint Languages
- Titoli conseguiti **Laurea in Matematica (cum laude)**

## COMPETENZE PROFESSIONALI

MADRE LINGUA **ITALIANO**  
ALTRE LINGUE **INGLESE, FRANCESE**

### COMPETENZE DIDATTICHE E SCIENTIFICHE

- Interessi di Ricerca (5 Parole Chiave): Systems Biology, Hybrid Systems, Formal Verification, Information Flow Security, Quantum Computing.
- Autore di 102 pubblicazioni su Scientific Journals e Conferences indicizzati in Scopus.
- Docente in più di 40 insegnamenti o moduli accademici dal 2005 (i.e., Algorithms and Data Structures, Computational Complexity, Quantum Computing).
- Organizzazione e Presentazione di lavori a Conferenze Nazionali e Internazionali (più di 20 presentazioni).
- Relatore di più di 20 tesi (triennali, specialistiche e magistrali); Supervisore e co-supervisore di 4 tesi di dottorato.

### RUOLI DI RILIEVO E COMPETENZE ORGANIZZATIVE

- Coordinatore dei Corsi di Studi in Discipline Informatiche dell'Università degli Studi di Udine (Novembre 2022-oggi).
- Coordinatore del Gruppo di Ricerca e Laboratorio su Computational Biology and Bioinformatics dell'Università degli Studi di Udine.
- Responsabile/Responsabile di Unità di 3 progetti di ricerca.
  - o 2022-2025: Noninterference and Reversibility Analysis in Private Blockchains (NiRvAna). Finanziatore: MIUR –PRIN. Ruolo: Responsabile di Unità;
  - o 2017-2020 Efforts in the uNderstanding of Complex InterActing SystEms (ENCASE). Finanziatore: Università degli Studi di Udine. Ruolo: Responsabile;
  - o 2015 Algoritmica per il model checking e la sintesi di sistemi safety-critical. Finanziatore: INdAM Istituto Nazionale di Alta Matematica. Ruolo: Responsabile.

### INDICI BIBLIOGRAFICI (SCOPUS)

- NUMERO DI PUBBLICAZIONI: 110
- NUMERO DI CITAZIONI: 1137
- H-INDEX: 19

1. Ressi D, Romanello R, Piazza C, Rossi S. (2024). AI-enhanced blockchain technology: A review of advancements and opportunities. *Journal of Network and Computer Applications*, 225, 103858.
2. Piazza C, Rossi S, Smuseva D. (2024). Efficient Algorithm for Proportional Lumpability and Its Application to Selfish Mining in Public Blockchains. *Algorithms*, 17(4), 159.
3. Rossi N, Gigante N, Vitacolonna N, Piazza C. (2024). Inferring Markov Chains to Describe Convergent Tumor Evolution with CIMICE. *IEEE/ACM Transactions on Computational Biology and Bioinformatics*, 21(1), 106-119.
4. Della Giustina D, Londero C, Piazza C, Riccardi B, Romanello R. (2024). Quantum encoding of dynamic directed graphs. *Journal of Logical and Algebraic Methods in Programming*, 136, 100925.
5. Colautti A, Rossi N, Piazza C, Comi G, Iacumin L. (2023). Draft genome sequences of 14 *Lactocaseibacillus* spp.strains, representatives of a collection of 200 strains. *Microbiology Resource Announcements* 12(10).
6. Coan M, Toso M, Cesaratto L, Rigo I, Borgna S, Dalla Pietà A, Zandonà L, Iuri L, Zucchetto A, Piazza C, Baldassarre G, Spizzo R. (2023). LINC01605 Is a Novel Target of Mutant p53 in Breast and Ovarian Cancer Cell Lines. *Int. Journal of Molecular Sciences*, 24(18), 13736.
7. Piazza C, Romanello R. (2023). Synthesis of CNOT minimal quantum circuits with topological constraints through ASP. *Proceedings of AIQxQAI2023*, CEUR 3586.
8. Casagrande A, Piazza C. (2023). Adaptive Directions for Bernestein-Based Polynomial Set Evolution. *Proceedings of RP2023*, LNCS 14235, 113-126.
9. Casagrande A, Cimatti A, Dorigo L, Piazza C, Tonetta S. (2023). Set-Based Invariants over Polynomial Systems. *Proceedings of CILC2023*, CEUR 3428.
10. Piazza C, Romanello R, Wille R. (2023). An ASP Approach for the Synthesis of CNOT Minimal Quantum Circuits. *Proceedings of CILC2023*, CEUR 3428.
11. Della Schiava A, Piazza C, Romanello R. (2023). Graph-Theoretical Arguments in Support of a Quantum Declarative Manifesto. *Proceedings of CILC2023*, CEUR 3428.
12. Casagrande A, Gentilini R, Piazza C, Policriti A. (2022). Hybrid automata in systems biology. In *Systems Biology Modelling and Analysis: Formal Bioinformatics Methods and Tools*, 305-338.
13. Piazza C, Romanello R. (2022). Mirrors and Memory in Quantum Automata. *Proceedings of QEST2022*, LNCS 13479, 359-380.
14. Della Giustina D, Piazza C, Riccardi B, Romanello R. (2022). Directed Graph Encoding in Quantum Computing Supporting Edge-Failures. *Proceedings of RC2022*, LNCS 13354, 75-92.
15. Ressi D, Romanello R, Rossi S, Piazza C. (2022). Neural Networks Reduction via Lumping. *Proceedings of AIxIA2022*. LNCS 13796, 75-90.
16. Casagrande A, Gentilini R, Piazza C, Policriti A. (2022). Hybrid Automata in Systems Biology. Chapter in *Systems Biology Modelling and Analysis: Formal Bioinformatics and Tools*, 305-337. Wiley.
17. Rossi N, Colautti A, Iacumin L, Piazza C. (2022). WGA-LP: a pipeline for whole genome assembly of contaminated reads. *Bioinformatics*, 38(3), 846—848.
18. Casagrande A, Dang T, Dorigo L, Dreossi T, Piazza C, Pippia E. (2022) Parameter synthesis of polynomial dynamical systems. *Information and Computation*, 289(A), 104941.
19. Pellizzari L, Rossi N, Verardo M, Spizzo R, Piazza C, Puglisi F, Gerratana L. (2021). Feasibility of an automated data solution for Binary Alignment Map (BAM) files generated through next generation sequencing (NGS) of circulating tumor DNA (ctDNA). *Annals of Oncology*, 32 (S5), S1219.
20. Marin A, Piazza C, Rossi S. (2021). D\_PSNl: Delimited persistent stochastic non-interference. *Theoretical Computer Science*, 884, 116-135.
21. Marin A, Piazza C, Rossi S. (2021). Proportional lumpability and proportional bisimilarity. *Acta Informatica*, 59(2-3), 211-244.
22. Piazza C, Rossi S. (2021). Reasoning About Proportional Lumpability. *Proceedings of QEST2021*, LNCS 12846, 372-390.
23. Hillston J, Marin A, Piazza C, Rossi S. (2021). Persistent Stochastic Non-Interference. *Fundamenta Informaticae*, 181(1), 1-35.

**Ai sensi della legge 679/2016 del Regolamento del Parlamento Europeo del 27 aprile 2016, esprimo il mio consenso al trattamento e all'utilizzo dei dati forniti in questo CV**

Udine, 07.04.2024

Firma